دوره پودمانی داکینگ مولکولی

معرفی دوره :

از آنجا که drug discovery فرایندی زمانبر (۱۵-۱۰ سال) و پر هزینه (۲ میلیارد دلار) است، شرکت های دارویی و گروه‌های تحقیقات دانشگاهی تکنیک‌های مختلف drug discovery را به کمک کامپیوتر جهت کاهش هزینه و زمان به کار می‌گیرند. یکی از معمول‌ترین روش‌های مورد استفاده در روش غربالگری مجازی براساس ساختار، داکینگ است.

عناوین کلی این دوره شامل موارد زیر می باشد :

۱) مبانی اولیه داکینگ

۲) آماده سازی فایل ورودی ماکرومولکول (پروتئین)

۳) تهیه فایل ساختاری لیگاند

۴) آموزش Autodock و Vina

۵) آموزش استخراج و آنالیز نتایج

عناوین زیر پودمان های دوره:

طراحی محاسباتی دارو (ویژه دانشجویان تحصیلات تکمیلی)

طراحی محاسباتی دارو (ویژه هیات علمی و محققین حوزه دارو)

شیوه ارائه دوره:

آفلاین- در انتهای دوره جلسه رفع اشکال به صورت آنلاین در سامانه نوید برگزار می گردد.

گروه هدف:

دانشجویان تحصیلات تکمیلی، اعضای هیات علمی و محققین مشغول در زمینه تحقیقات دارویی

مدت دوره:

۲۰۰ دقیقه شامل ۱۹ محتوا

نحوه ارزشیابی دوره:

انجام پروژه پایان ترم

برگزاری پیش آزمون و پس آزمون

نحوه ارائه گواهی:

در پایان دوره در صورتی که فراگیر با موفقیت پروژه پایان دوره را با موفقیت انجام دهد گواهی پایان دوره توسط دانشگاه علوم پزشکی مجازی صادر خواهد شد.

کمیته علمی دوره پودمانی داکینگ مولکولی:

دکتر سید شهریار عرب- متخصص بیوانفورماتیک- عضو هیات علمی دانشگاه تربیت مدرس

دکتر شیما علی ابراهیمی- متخصص بیولوژی سلولی و مولکولی- عضو هیات علمی دانشگاه علوم پزشکی مجازی